

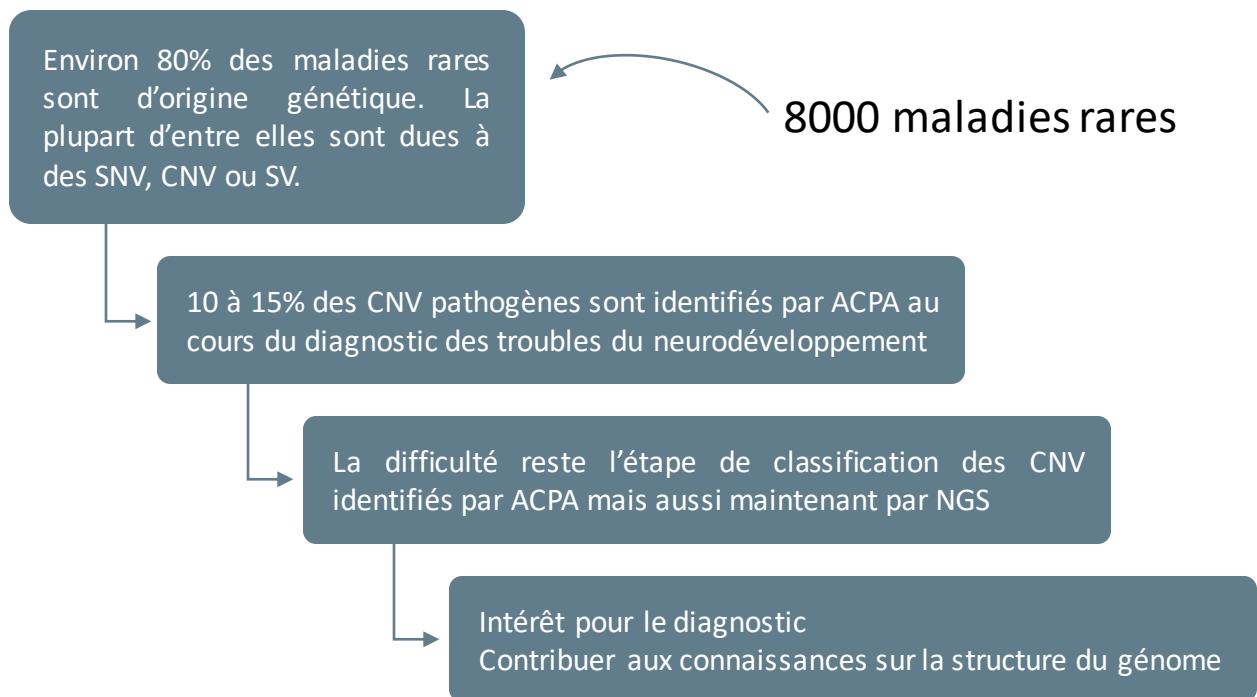
## Le mot de Damien Sanlaville (coordinateur national)

Le projet BANCCO+ est la continuité du projet BANCCO (BAnque Nationale des CNV COnstitutionnels) qui a créé en 2013 la base de données nationale des variations du nombre de copies de segments d'ADN (*Copy Number Variation, CNV*) associées à des maladies génétiques rares. BANCCO+ se focalisera plus particulièrement sur les troubles du neurodéveloppement (TND) et adoptera les nouveaux standards de la science ouverte.

Ce projet, mené par un consortium de trois partenaires (Hospices Civils de Lyon, CHU de Poitiers et Aix-Marseille Université), a pour objectif principal de réduire l'errance diagnostique tant en facilitant l'interprétation des données qu'en contribuant à la découverte de nouveaux gènes.

La **Newsletter** de BANCCO+ paraîtra chaque semestre. Vous y trouverez toutes les informations utiles pour utiliser la base de données BANCCO+ et plus largement des acteurs du domaine en France et à l'international.

## Pourquoi une base de données de CNV ?



BANCCO contient les données de CNV détectés par ACPA chez 24000 patients. BANCCO+ vise à collecter les données d'ACPA et de NGS de 100000 patients.

BANCCO+ respecte les recommandations nationales (CNIL) et internationales (RGPD) et est ainsi hébergée dans un environnement certifié HDS. La base de données est accessible à <https://bancco.fr/>

SNV = Short Nucleotide Variation ; CNV = Copy Number Variation ; SV = Structural Variation ; ACPA = Analyse Chromosomique sur Puce à ADN ; NGS = Next Generation Sequencing

# Accroître nos connaissances sur le génome humain

→ Enrichissant BANCCO+ de nouvelles données de CNV identifiés par

Analyse chromosomique sur puce à ADN (ACPA)

Séquençage à haut débit (NGS)

- En se focalisant sur des données de grande qualité produites dans le cadre du diagnostic
- En bénéficiant de l'accès à une large cohorte de patients atteints de TND et de malformations fœtales
- Via le développement de nouvelles fonctionnalités d'aide à l'interprétation médicale et de support dans la prise en charge thérapeutique
- En permettant des études épidémiologiques et phénotypiques associées aux CNV, notamment ceux de petite taille
- En contribuant à l'identification de nouveaux gènes et de nouveaux syndromes grâce au développement de projets collaboratifs

## Une base de données impliquant divers acteurs

### Consortium BANCCO+

Pr Damien Sanlaville, HCL - Lyon

Pr Christophe Béroud, AMU, Marseille

Dr Frédéric Bilan, CHU de Poitiers

### Comité scientifique et éthique

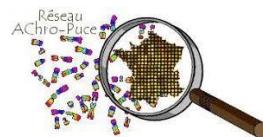
Pr Sylvie JAILLARD, ACLF

Pr Valérie MALAN, AChroPuce

Dr Jean MULLER, NGS-Diag

Dr Amélie PITON, NGS-DI

### Partenaires nationaux



Contact : [HCL.banccoplus-contact@chu-lyon.fr](mailto:HCL.banccoplus-contact@chu-lyon.fr)

Le comité de pilotage du projet BANCCO+ vous souhaite une bonne année 2023 !